

INFORMAZIONI PERSONALI

Elisa Sarto

📍 Fondazione IRCCS Istituto Neurologico Carlo Besta
UO Genetica Medica e Neurogenetica
Amadeolab, via Amadeo 42, 20133 Milano

✉ elisa.sarto@istituto-besta.it

Sesso: F | *Nazionalità*: Italiana

<https://orcid.org/0000-0002-0699-956X>

ESPERIENZA PROFESSIONALE

Dicembre 2019 – Oggi

Contratto a tempo determinato - ricercatore sanitario

Fondazione IRCCS Istituto Neurologico Carlo Besta

Attività di ricerca in laboratorio di screening genetici nell'ambito dei disordini del sistema nervoso centrale. Utilizzo della tecnica NGS su pannelli genici per la ricerca di mutazioni patogenetiche, nuovi geni malattia, analisi dei risultati, validazione delle varianti identificate e segregazione nelle famiglie.

Maggio 2012 – Dicembre 2019

Collaborazione Coordinata e Continuativa - ricercatore

Fondazione IRCCS Istituto Neurologico Carlo Besta

Screening genetici nell'ambito delle malattie neurodegenerative ad alta eterogeneità genetica tramite l'utilizzo della tecnica NGS per la ricerca di mutazioni patogenetiche, nuovi geni malattia, analisi dei risultati, validazione delle varianti identificate e segregazione nelle famiglie.

Maggio 2007 – Maggio 2012

Borsa di studio

Fondazione IRCCS Istituto Neurologico Carlo Besta

Attività di ricerca in laboratorio nell'ambito delle malattie neurodegenerative (atassie e paraparesi spastiche), screening molecolare e biochimico di ampie casistiche di pazienti per la ricerca di nuove mutazioni patogenetiche, messa a punto di nuove metodiche per l'analisi, analisi dei risultati.

Novembre 2006 – Maggio 2007

Borsa di studio

Fondazione IRCCS Istituto Nazionale dei Tumori

Studi immunologici relativi ai Toll-like receptors.

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Settembre 2013 – Luglio 2014

Master Internazionale di 1° livello in Nutrizione e Dietetica Applicata

Università Politecnica delle Marche

Titolo della tesi di master: " Nutrienti, genoma e salute: la dieta del futuro"

Studio di piani nutrizionali ad hoc e acquisizione delle principali nozioni relative alle basi di nutrizione e dietetica.

Novembre 2012

Esame di Stato di Abilitazione all'Esercizio della Professione di Biologo: F6 –sezione A

Università degli Studi di Milano

Ottobre 2004 – Luglio 2006

Laurea Specialistica in Biotecnologie Industriali

Università degli Studi di Pavia

Titolo della tesi specialistica: "Dissezione molecolare e analisi filogeografica dell'aplogruppo M1 del DNA mitocondriale umano", presso Laboratorio di Genetica Umana

Principali materie trattate: genetica, biologia molecolare e cellulare e, nel periodo di tesi, soprattutto lo studio e lo screening del DNA mitocondriale.

Ottobre 2001 – Settembre 2004

Laurea di Primo Livello in Biotecnologie percorso biologico

Università degli Studi di Pavia

Titolo della tesi di primo livello: "Analisi del DNA mitocondriale umano: sequenziamento completo di tre genomi", presso: Laboratorio di Genetica Umana

Principali materie trattate: genetica, biologia molecolare e cellulare e, nel periodo di tesi, soprattutto lo studio e lo screening del DNA mitocondriale.

Settembre 1996 – Giugno 2001

Liceo scientifico G. Peano (piano nazionale di informatica)

ATTIVITÀ DI INSEGNAMENTO

Aprile 2006 – Giugno 2006

Tutore del corso di Bioinformatica facente parte della laurea di primo livello in Scienze Biologiche

Università degli Studi di Pavia

COMPETENZE TECNICHE

Ottima competenza nelle tecniche di biologia molecolare: PCR, HRM, MLPA, Real-Time PCR, Genomiphi, DHPLC, Southern Blotting, digestioni enzimatiche, corse elettroforetiche, estrazione RNA, estrazione proteine, Western Blotting, sequenze di DNA genomico e mitocondriale.

Ottime competenze nelle tecniche di biologia cellulare: mantenimenti cellulari tumorali, marcatura cellulare con Cromo 51 per test di citotossicità, test Elisa, marcatura con P32.

Ottima conoscenza dei nuovi approcci NGS (Next Generation Sequencing), in particolare la tecnica Target Resequencing (TruSeq Custom Amplicon); Nextera Rapid Capture, Nextera XT e Exome sequencing.

Ottima conoscenza di programmi di laboratorio in particolare Sequencer, Clustalw, IGV (e altri programmi di lettura sequenze DNA) e dei programmi di predizione e annotazione di varianti. Analisi dati di tutte le tecniche utilizzate.

Ottima conoscenza degli applicativi Office (Word, Excel, PowerPoint).